

1. 研究課題名：一分子生理学による生体分子機械の動作機構の解明

2. 研究期間：平成16年度～平成20年度

3. 研究代表者：木下 一彦（早稲田大学・理工学部・教授）

4. 研究代表者からの報告

(1) 研究課題の目的及び意義

たんぱく質ないしRNAでできた「分子機械」が働く原理を解明するため、1個1個の分子が機能している様子を現場で連続観察し、さらに分子に操作を加えてそれに対する応答を調べるのが、一分子生理学である。本研究は、光学顕微鏡下の一分子生理学を駆使して、分子機械の動作原理の根元的理解をめざす。具体的には、可逆な回転分子モーターであるF1-ATPaseや、リニア分子モーターであるミオシンなどの、ATP駆動の分子機械、およびATP合成酵素のFo部分などプロトンないしイオン流駆動の分子機械の、動作原理の解明を主眼とする。個別の分子機械の動作機構もさることながら、多種多様な分子機械の研究の嚆矢となり見本・参考となるような、一般原理の提出をめざす。

本研究ではとくに、必ずしも複雑な装置に頼ることなく、「一目で分かる」観察結果に基づき、生体分子機械の作動原理を分かりやすく示すことを目標とする。プラスチックビーズなど、分子機械に比べて巨大な目印を使い、分子機械の動き・構造変化を直接可視化する。巨大目印は磁石や光による分子機械の操作や、分子機械の出す力の測定にも用いる。必要に応じて蛍光性ATPなどの蛍光色素一分子イメージングも加えて、分子機械の動作原理を探る。

巨大目印を用いた一分子生理学は、思いつくのは簡単だが、実現は試行錯誤の連続で、失敗に終わるのが大部分である。しかし、うまくいけば大きな実を結び、他分野にもインパクトを与える。新しい道を切り開き、一分子生理学をリードしていきたい。

(2) 研究の進展状況及び成果の概要

回転分子モーターF1-ATPaseにおける化学反応(ATP分解)と力学反応(回転)の共役機構が明らかになった。F1の駆動エネルギーは、3ヶ所の活性部位でのATP分解により得られる。120度おきのステップ状回転のたびにATP一分子が消費され、120度ステップはさらに約80度と40度のサブステップに分かれる。共役の仕組みは：(1)ATP待ち状態において一つだけ空いている活性部位にATPが結合すると回転が始まり、同時に、(240度前にATPとして結合された)ADPが解離。ATP結合とADP解離の両者に駆動されて80度の回転が起きる。(2)80度の位置で、一つ前(200度前)に結合されたATPがADPとリン酸に分解される。(3)リン酸解離がおき、それが80度→120度の回転を駆動。(1')次のATPが結合。とくに(2)において、回転に伴いリン酸に対する親和性が一万倍以上低下することを示すことができた。逆回転によりATPを合成する場合、120度→80度の回転でリン酸親和性が増し、溶液中からリン酸を結合することになる。Boyerの結合変化説の、初めての直接的証明と考えられる。

F1の回転子であるγサブユニットの、回転軸部分をほぼ全部削ってしまっても回転し続けるという、驚くべき結果を得た。残りのγサブユニットは、固定子であるα3β3サブユニットの筒の入口にちょこんと乗っているだけと思われるが、それでも正しい方向に百回転以上回ることを確認できた。

2本足の分子モーター・ミオシンVの歩行機構も明らかになった。脚の付け根はほぼ完全に自由な自在継ぎ手となっており、持ち上がった脚は激しい回転ブラウン運動の後前方に着地する。

5. 審査部会における所見

A (現行のまま推進すればよい)

近年のタンパク質研究の大展開として期待される分子の可視化を牽引する成果を提供した。細胞内分子モーターの研究では、ミオシンV脚タンパク質の新固定化法の開発で、ミオシンがリニアモーターとなりアクチン分子上で特徴的な歩行が可視化された。ATP合成酵素のタンパク質構造改変の研究ではF1ATPaseのγサブユニットを消失させた改変タンパク質を用い、軸分子が無くてもATP駆動能がある、画期的な現象が証明された。さらに好熱菌F1ATPaseによる至適生育温度下の顕微鏡観察では、従来の常識をはるかに覆す驚異的な回転が観察された。これらの成果はいずれも学問発展に大きく寄与し、質の高い論文として多数発表され、研究情報の提供に貢献した。これら種々の優れた研究成果の実現には、他者の追従を許さない絶妙な技術開発が大きく寄与し、研究代表者、博士研究員、大学院生のチームが一丸となり作り上げた努力がうかがえる。本研究は、独自に開発してきた研究手法により生物物理学に波及効果を与えたのみならず、学問の枠を超え、難解で重要とされている生命科学の当課題に挑戦し、世界的にリードできるレベルに引き上げたことが高く評価された。